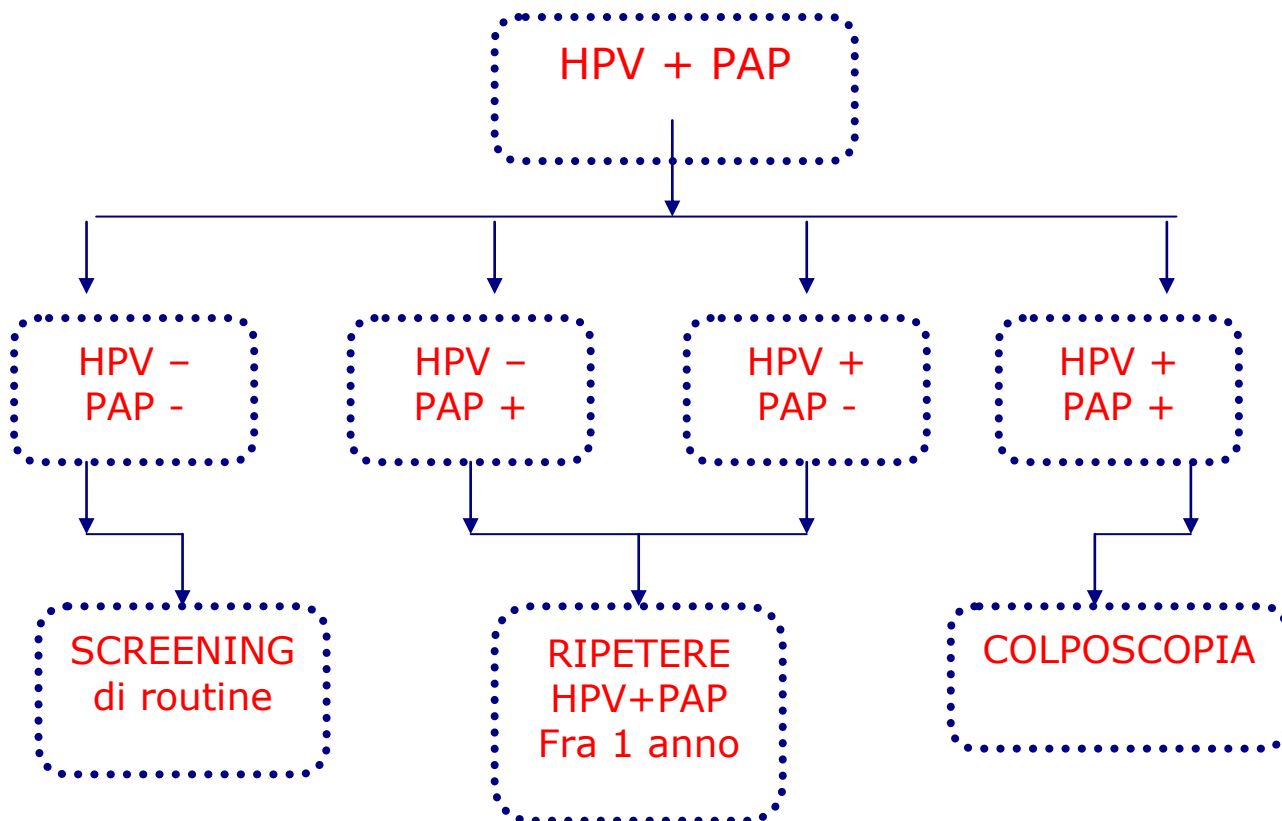


PAP TEST+ RICERCA DNA HPV (SOLO GENOTIPI AD ALTO RISCHIO ONCOGENO)

Per l'anno 2012 il Centro Medico Ecografico Copiano propone una nuova strategia di screening del carcinoma della cervice basata sulla ricerca del DNA del Papilloma Virus (genotipi ad alto rischio oncogeno) insieme al tradizionale esame citologico (Pap Test) con lo scopo di migliorare la sensibilità dello screening e, in accordo con le linee guida di varie società italiane e straniere di citologia, attuare un nuovo approccio diagnostico.

PERCHE' ESEGUIRE QUESTO TEST:

- 1) Da' una certezza assoluta sui negativi permettendo di escludere le pazienti che non hanno lesioni di alto grado del collo dell'utero.
- 2) Individua con grande anticipo le donne a rischio prima che le cellule presentino le modifiche visibili con il Pap Test.
- 3) Da' risposte chiare sulla presenza o assenza dell'infezione.
- 4) Contribuisce a diminuire l'eccessiva medicalizzazione delle pazienti con referti border line.
- 5) Salvaguarda la responsabilità professionale del medico.
- 6) Elevata sensibilità nel rilevare casi clinicamente significativi.
- 7) Presenta costi inferiori ad altre metodiche di ricerca (prestazione prevista dal SSN).



METODI PER LA RICERCA DI HPV DNA

I sistemi in grado di individuare il gruppo di HPV ad alto rischio sono saggi qualitativi o semi-qualitativi nei quali il DNA del virus viene evidenziato usando mix di sonde specifiche per i genotipi ad alto rischio; pertanto, non consentono l'identificazione del tipo di HPV presente nel campione, ma solo la generica positività o negatività.

La metodica che noi proponiamo, in collaborazione con il Laboratorio di Biologia Molecolare BIODIVERSITY di Brescia, è la **Real-time PCR**.

Questo metodo, a differenza di quelli attualmente proposti per uno screening HPV, permette non soltanto di dare una risposta positiva o negativa per i genotipi ad alto rischio oncogeno ma anche di indicare il genotipo eventualmente presente e consente, inoltre, di individuare le infezioni provocate da più genotipi contemporaneamente. I genotipi che questo metodo riesce ad identificare sono: *16,18,31,33,35,39,45,51,52,56,58,59*.